

Narration	Time
Jmol میں Enzymes کے 3D موڈلس پر ٹیوٹوریل میں خوش آمدید۔	00:01
اس ٹیوٹوریل میں ہم سیکھیں گے: Jmol پینل پر Human Pancreatic Hexokinase کے اسٹرکچر کو لوڈ کرنا۔	00:08
سیکنڈری اسٹرکچر کے ڈسپلے پر تبدیلی کرنا۔	00:16
ایکٹیو یعنی فعال سائٹ پر amino acid residues کو ہائی لائٹ کرنا۔	00:20
اینزائم کے substrate اور cofactors کو ہائی لائٹ کرنا۔	00:25
اور پروٹین کے لئے Ramachandran plot دیکھنا۔	00:30
اس ٹیوٹوریل کو سمجھنے کے لئے آپ کو بنیادی بائیو کیمسٹری کا علم ہونا چاہئے۔	00:35
اور Jmol Application window کے بنیادی آپریشنز کے ساتھ واقف ہونا چاہئے۔	00:41
Jmol اپیلی کیشن کے لئے Proteins اور Macromolecules ٹیوٹوریل ملاحظہ کریں۔	00:46
یہ مندرجہ ذیل لنک پر دستیاب ہے۔	00:53
اس ٹیوٹوریل کو ریکارڈ کرنے کے لئے میں Ubuntu آپریٹنگ سسٹم ورژن 12.04	00:57
Jmol ورژن 12.2.2	01:05
Java ورژن 7 اور Mozilla فائر فاکس براؤزر 22.0 استعمال کر رہا ہوں	01:08
Jmol ونڈو کھولیں اور hexokinase اینزائم کا اسٹرکچر لوڈ کریں۔	01:16
میں انٹرنیٹ سے جڑا ہوا ہوں، تو میں اسٹرکچر کو براہ راست PDB ویب سائٹ سے لوڈ کروں گا۔	01:22
ایسا کرنے کے لئے، File مینو کھولیں، نیچے سکرول کریں اور Get PDB آپشن پر کلک کریں۔	01:28
سکرین پر ایک ان پٹ ڈائیلاگ باکس نظر آتا ہے۔ ٹیکسٹ باکس میں hexokinase کے لئے چار حروف PDB کوڈ 3IDH ٹائپ کریں۔	01:37
یہ کوڈ Protein Data Bank ویب سائٹ سے حاصل کیا گیا تھا۔	01:50
اگر آپ کے پاس فعال انٹرنیٹ کنکیشن نہیں ہے تو ٹول بار پر open a file آئیکن استعمال کرتے ہوئے موجودہ pdb فائل کھولیں۔	01:55
OK کے بٹن پر کلک کریں۔	02:06

02:09	hexokinase کا 3D اسٹرکچر جسے glucokinase بھی کہتے ہیں سکریں پر کھلتا ہے۔
02:16	File مینو استعمال کرتے ہوئے Console ونڈو کھولیں۔
02:21	جیسا Console پر دکھایا گیا ہے، پینل پر Glucose substrate کے ساتھ Human Pancreatic Glucokinase کے لئے اسٹرکچر ہے۔
02:31	Console کو بند کریں۔
02:34	پینل پر ہمارے پاس hexokinase کا ball and stick ماڈل ہے۔
02:40	پینل پر پروٹین ماڈل سے water molecules کو ہٹائیں۔
02:44	یہ عمل، Jmol ٹیوٹوریل Proteins and macromolecules میں تفصیل سے سمجھایا گیا ہے۔
02:53	hexokinase اینزائم کے بارے میں
02:56	Hexokinase، 465 امینو ایسڈس کا monomeric protein ہے۔
03:02	یہ دو domains، ایک بڑا domain اور ایک چھوٹا domain رکھتا ہے۔
03:07	یہ اینزائم کے لئے active-site یعنی فعال سائٹ پر دو ڈومینس کے درمیان cleft یعنی کریک میں واقع ہوتا ہے۔
03:14	hexokinase کے لئے active-site پر 13 امینو ایسڈ ریسڈیوس ہوتے ہیں: 204 پر Aspergine، پوزیشن 231 پر Aspergine اور 256 پر Glutamic acid
03:30	Alpha-D-Glucose اس اینزائم کے لئے substrate ہے۔
03:34	اب Jmol پینل پر واپس جاتے ہیں۔
03:38	ہم فعال ویب سائٹ پر Enzymes کے اجزاء جیسے: substrate، Cofactors یا Amino acid residues کو ہائی لائٹ یا منتخب کر سکتے ہیں۔
03:49	ایک خاص کمپونٹ یعنی جز کو منتخب کرنے کے لئے دایاں کلک استعمال کرتے ہوئے پاپ اپ مینو کھولیں۔
03:55	Select آپشن تک نیچے سکروں کریں۔
03:57	سب-مینو سے، Proteins، پھر By Residue name منتخب کریں۔
04:04	یہاں مختلف امینو ایسڈس درج ہیں۔
04:10	کسی ایک کو منتخب کرنے کے لئے اس امینو ایسڈ کے نام پر کلک کریں۔

04:14	امینو ایسڈس عنوانات جیسے Polar، Non-polar، Basic، Acidic، Uncharged وغیرہ کے تحت درجہ بند کئے گئے ہیں۔
04:26	دھات یعنی میٹل آئن potassium اور Hetero substrate glucose مینو میں درج ہیں۔
04:34	ہم substrate binding site آسانی سے تلاش کرنے کے لئے اینزائم کے ڈسپلے میں ترمیم کر سکتے ہیں۔
04:41	اب ہم پروٹین کے ایٹمز کے رنگ اور ڈسپلے کو بدلتے ہیں۔
04:46	پاپ اپ مینو کھولیں، Select پر جائیں اور Protein آپشن تک نیچے سکرول کریں All پر کلک کریں۔
04:55	دوبارہ پاپ اپ مینو کھولیں، Style پر جائیں، پھر Scheme پر جائیں اور Sticks آپشن پر کلک کریں۔
05:05	اب ہمارے پاس پینل پر پروٹین، sticks ڈسپلے میں ہے۔
05:11	اب رنگ تبدیل کرنے کے لئے، دوبارہ پاپ اپ مینو کھولیں، Color، پھر Atoms پر جائیں، اور Blue آپشن پر کلک کریں۔
05:23	ہمارے پاس سکرین پر hexokinase کا ماڈل بلیورنگ میں اور sticks ڈسپلے میں ہے۔
05:30	substrate کو دیکھیں، cleft میں Alfa-D-Glucose، ball and stick ڈسپلے میں ہے۔
05:38	substrate کو ہائی لائٹ کرنے کے لئے، پاپ اپ مینو کھولیں، Select پر جائیں، پھر Hetero اور GLC-ALFA-D-GLUCOSE پر کلک کریں۔
05:52	پاپ اپ مینو پر دوبارہ کلک کریں، Style پر نیچے جائیں، پھر Scheme اور Sticks آپشن پر کلک کریں۔
06:00	رنگ تبدیل کرنے کے لئے، دوبارہ پاپ اپ مینو کھولیں، Color، پھر Atoms پر جائیں اور White آپشن پر کلک کریں۔
06:12	پینل پر واضح طور پر ہائی لائٹ کئے ہوئے substrate کی پوزیشن کے ساتھ hexokinase کا ماڈل ہے۔
06:20	ہم امینو ایسڈس کو ہائی لائٹ کرنے کے لئے فعال سائٹ پر ان کا رنگ تبدیل کر سکتے ہیں۔
06:26	ایسا کرنے کے لئے ہمیں Console ونڈو پر کمانڈ ٹائپ کرنا ہے۔
06:32	جیسا پہلے بتایا گیا ہے فعال سائٹ میں امینو ایسڈس شامل ہیں پوزیشن 204 پر Aspergine، پوزیشن 231 پر Aspergine اور 256 پر Glutamic acid
06:50	File menu استعمال کرتے ہوئے Console ونڈو کھولیں۔ Console پر کلک کریں۔

06:57	میں Console ونڈ کو میگنیفائی کرنے کے لئے Kmag سکرین میگنفاؤز کا استعمال کر رہا ہوں۔
07:03	\$ پرومپٹ پر ٹائپ کریں : select، چوکور بریکٹ میں aspergine کے لئے Asn، بریکٹ بند کریں، 204، یعنی پوزیشن ہے "color atoms orange" semicolon
07:25	اینٹر دبائیں۔
07:27	نوٹ کریں کہ asparagine ریسڈیو کے ایٹمز اب اورنج رنگ میں ہیں۔
07:33	کی بورڈ پر اپ ایروٹن دبائیں اور کمانڈ کو ایڈٹ کریں۔
07:39	امینو ایسڈ کی پوزیشن کو 231 اور ایٹمز کے رنگ کو سرخ کریں۔
07:48	اینٹر دبائیں۔
07:51	دوبارہ اپ ایروٹن دبائیں اور امینو ایسڈ کے نام کو GLU جو کہ glutamic acid ہے اور پوزیشن کو 256 کریں۔
08:06	ایٹمز کا رنگ سبز کریں اور اینٹر دبائیں۔
08:13	پینل پر ہمارے پاس substrate اور ہائی لائٹ کی ہوئی فعال سائٹ کے ساتھ hexokinase کا 3D ماڈل ہے۔
08:23	یہاں جامنی رنگ میں دکھایا گیا potassium ایٹم بھی ماڈل میں ہائی لائٹ کیا ہوا ہے۔
08:30	ہم jmol میں ایک مخصوص پروٹین کے لئے ramachandran plots بھی دکھا سکتے ہیں۔
08:36	Console پر، \$ پرومپٹ پر ٹائپ کریں plot ramachandran
08:45	اینٹر دبائیں۔
08:47	سکرین پر ہمارے پاس hexokinase کے لئے ramachandran plot ہے۔
08:54	ڈیٹا بیس سے pdb files استعمال کرتے ہوئے مختلف Enzymes لوڈ کرنے کی کوشش کریں۔
09:00	سیکنڈری اسٹرکچر کے ڈسپلے کو تبدیل کریں۔
09:04	اب خلاصہ بیان کرتے ہیں، اس ٹیوٹوریل میں ہم نے سیکھا، PDB استعمال کرتے ہوئے Human Pancreatic Hexokinase کے اسٹرکچر کو لوڈ کرنا۔
09:14	سیکنڈری اسٹرکچر کے ڈسپلے میں ترمیم کرنا۔
09:17	فعال سائٹ پر amino acid residues کو ہائی لائٹ کرنا۔

09:21	* substrate اور اینزائم کے cofactors کو ہائی لائٹ کرنا۔
09:25	اور پروٹینس کے لئے ramachandran پلاٹ دیکھنا۔
09:30	تفویض میں: Jmol پینل پرائیزائم Lysozyme کی ڈاٹ pdb فائل لوڈ کریں۔
09:38	اینزائم سے منسلک substrate کو ہائی لائٹ کریں۔
09:42	فعال سائٹ پرائیمینو ایسٹس کو ہائی لائٹ کریں۔
09:46	اشارہ ہے: PDB ڈیٹا بیس سے Lysozyme کی pdb فائل حاصل کریں۔
09:52	اس URL پر دستیاب ویڈیو دیکھیں۔
09:56	یہ اسپوکن ٹیوٹوریل پروجیکٹ کا خلاصہ بیان کرتا ہے۔
10:00	اچھی بینڈ وڈتھ نہ ملنے پر آپ اسے ڈاؤن لوڈ کر کے دیکھ سکتے ہیں۔
10:04	اسپوکن ٹیوٹوریل پروجیکٹ ٹیم:
10:07	ورکشاپ چلاتی ہے اور اسناد تقسیم کرتے ہیں۔
10:10	مزید معلومات کے لئے، براہ مہربانی ہمیں لکھیں۔
10:14	اسپوکن ٹیوٹوریل پروجیکٹ ٹاک ٹوائے ٹیچر پراجیکٹ کا حصہ ہے۔
10:19	یہ بھارتی حکومت کے ایم ایچ آر ڈی کے آئی سی ٹی کے ذریعے قومی خواندگی مشن کی طرف سے حمایت شدہ ہے۔
10:25	اس مشن پر مزید معلومات اس لنک پر دستیاب ہیں۔
10:30	اس اسکرپٹ کا ترجمہ اور صدابندی میں نے یعنی وجاحت احمد نے کی ہے، شامل ہونے کیلئے آپ کا شکریہ